

РЕЗУЛЬТАТИ ДОСЛІДЖЕНЬ

Пацієнт:	ТЕСТОВА ТЕСТ ТЕСТ	Лаб. № замовлення	111111111
Дата народж.	05.01.1981	Код замовлення:	-
Стать:	Жіноча	Дата замовлення:	05.08.2023
Коментарі:			

Назва дослідження	Результат	Одиниці вимірювання	Референтні значення	Коментарі
-------------------	-----------	---------------------	---------------------	-----------

Пренатальний неінвазивний скринінг Ninalia Genomewide (NIPT розширений)

Первинна проба: венозна кров

Кількість плодів	1			
Феномен зникаючого близнюка	Ні			
Фетальна фракція	7	%		
Трисомія 13	не виявлено		не виявлено	
Трисомія 18	не виявлено		не виявлено	
Трисомія 21	не виявлено		не виявлено	
Інші аутосомні анеуплоїдії	не виявлено		не виявлено	
Хромосомний дисбаланс > 7Мб	не виявлено		не виявлено	

Висновок:

Результат негативний щодо ризику трисомії 13, 18, 21 хромосом, інших аутосомних анеуплоїдій та хромосомного дисбалансу > 7 Мб. Тест проведено з урахуванням відсутності феномену зникаючого близнюка.

Рекомендовано: Консультація лікаря.

Відповідальна особа

Завідувач лабораторії молекулярно-генетичного аналізу Покровська Т.О.



Шановний лікарю!
Експерти ДІЛА надають інформаційну підтримку щодо трактування результатів лабораторного дослідження та інших професійних питань.
Акредитаційний сертифікат вищої категорії МОЗУ МЗ № 014792 від 27.03.2020

Шановний клієнте!
Результати лабораторних досліджень не є клінічним діагнозом.
Для коректної інтерпретації результатів досліджень, зверніться, будь ласка, до лікаря.
Ліцензія МОЗ України АД №071280 від 22.11.2012 г. ТОВ «ДІЛА» сертифіковано згідно вимог міжнародного стандарту ISO 9001

Характеристики та обмеження методу

Метод дослідження:

- CE-IVD Illumina VeriseqNIPT Solution 2: автоматична екстракція вільної ДНК з первинних пробірок, автоматизована підготовка бібліотеки, кількісне визначення та об'єднання (48 чи 96 зразків) на роботі Hamilton STARlab. Paired-end масивне паралельне секвенування на Illumina Nextseq 500. Veriseq 48plex NIPT Workflow, Версія програмного забезпечення: v2.0.0. Версія аналізу: 1.1.0. Конвеєр аналізу VERISEQ NIPT CE – IVD [Illumina].
- Оцінка розміру фрагмента ДНК плода, плодової фракції та визначення відносної частки всіх аутосом і статевих хромосом, а також хромосомного фрагмента розміром >7 Мб відповідно до Illumina Algorithm VeriseqNIPT Solution 2.

Технічні характеристики:

Чутливість тесту Illumina VeriseqNIPT Solution 2 становить:

- >99,9% – для трисомій 21, 18 та 13;
- при двійні: Трисомія 21 - 96,4%, Трисомія 18 - 95,7%, Трисомія 13 - 93,6%;
- 96,4% – для рідкісних аутосомних порушень;
- 74,1% – для незбалансованих перебудов >7 Мб.

Специфічність > 99,8%.

Технічні межі:

- Цей тест є скринінговим методом, який не замінює каріотипування плода і не може виявити хромосомні аномалії <7 Мб (мікрodelеції та мікродуплікації).
- У Пренатальний неінвазивний скринінг Ninalia Genomewide Complete (NIPT розширений) надається інформація про анеуплоїдії хромосом 1-22, хромосомний дисбаланс >7 Мб, визначення статевих хромосом та анеуплоїдії статевих хромосом.
- У Пренатальний неінвазивний скринінг Ninalia Genomewide (NIPT розширений) надається інформація про анеуплоїдії хромосом 1-22, хромосомний дисбаланс >7 Мб.
- У Пренатальний неінвазивний скринінг Ninalia 5 (NIPT базовий) надається інформація про анеуплоїдії хромосом 13, 18, 21, визначення статевих хромосом та анеуплоїдії статевих хромосом.
- У Пренатальний неінвазивний скринінг Ninalia 3 (NIPT базовий) надається інформація лише про анеуплоїдії хромосом 13, 18, 21.
- Проводити тест NIPT не рекомендується при виявленні ультразвукових аномалій.
- Негативний результат повністю не виключає можливість ураження плода.

Визначення статі плода (на підставі дослідження Illumina процентного співвідношення результатів визначення статевих хромосом і стандартної оцінки 1963 випадків):

- Відсоток співпадіння для визначення статі плода: 100%. Феномен зникаючого близнюка може пояснити хибнопозитивні результати для Y-хромосоми.
- Y-хромосома може бути виявлена при вагітності двійнею. Але при вагітності двійнею не можна визначити наявність анеуплоїдій статевих хромосом – X0, XXX, XYY, XXY.
- Відсоток співпадіння для статевих анеуплоїдій: X0 = 90,5%; XXX = 100%; XXY = 100%; XYY = 91,7%.